

Montevideo, 27 de Octubre de 2022

Ref. N° 12/001/3/6394/2022.-

Mediante acceso a la información pública se solicita:

“Recientemente vuestro Ministerio me ha respondido que sobre la secuenciación del virus existen abundantes publicaciones científicas sobre el tema.

<https://drive.google.com/file/d/1wigfZMfrhgWBLiwGo3Yx3-KG2uC6HTak/view?usp=sharing>

1) Puede el MSP informar a la población la secuenciación completa que se corresponda con el VIRUS SARSCOV2 ? Partiendo de la base que se trata de un trabajo donde el virus fué cultivado, purificado, centrifugado, aislado, y secuenciado y no completado por software”.

Consultado el Departamento de Laboratorio, se informa:

Existe numerosa literatura científica internacional publicada, revisada por pares. Se adjuntan referencias de trabajos en los que se ha logrado aislar, purificar y estudiar la secuencia genética completa del SARS-CoV-2. Las secuencias del genoma viral obtenidas y publicadas son habitualmente compartidas en bases de datos que recopilan esta información como GISAID (Global Initiative on Sharing Avian Influenza Data) <https://gisaid.org/>, NCBI (National Center for Biotechnology Information) <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/> y ViPR (Virus Pathogen Resource) <https://www.viprbrc.org/>

Zhu N, Zhang D, Wang W, Li X, Yang B, Song J, Zhao X, Huang B, Shi W, Lu R, Niu P, Zhan F, Ma X, Wang D, Xu W, Wu G, Gao GF, Tan W; China Novel Coronavirus Investigating and Research Team. A Novel Coronavirus from Patients with Pneumonia in China, 2019. *N Engl J Med.* 2020 Feb 20;382(8):727-733. doi: 10.1056/NEJMoa2001017. Epub 2020 Jan 24. PMID: 31978945; PMCID: PMC7092803

Díaz FJ, Aguilar-Jiménez W, Flórez-Álvarez L, Valencia G, Laiton-Donato K, Franco-Muñoz C, *et al.* Aislamiento y caracterización de una cepa temprana de SARS-CoV-2 durante la epidemia de 2020 en Medellín, Colombia. *Biomédica.* 2020;40(Supl.2):148-58. <https://doi.org/10.7705/biomedica.5834>

Harcourt J, Tamin A, Lu X, Kamili S, Sakthivel SK, Murray J, *et al.* Isolation and characterization of SARS-CoV-2 from the first US COVID-19 patient. *bioRxiv.* 2020;bioRxiv 2020.03.02.972935. <https://doi.org/10.1101/2020.03.02.972935>

Park WB, Kwon NJ, Choi SJ, Kang CK, Choe PG, Kim JY, *et al.* Virus isolation from the first patient with SARS-CoV-2 in Korea. *J Korean Med Sci.* 2020;35:e84. <https://doi.org/10.3346/jkms.2020.35.e84>

Pavel STI, Yetiskin H, Aydin G, Holyavkin C, Uygut MA, Dursun ZB, Celik İ, Cevik C, Ozdarendeli A. Isolation and characterization of severe acute respiratory syndrome coronavirus 2 in Turkey. *PLoS One.* 2020 Sep 16;15(9):e0238614. doi: 10.1371/journal.pone.0238614. PMID: 32936826; PMCID: PMC7494126.

Bastos L, Luiz D. SARS-CoV-2 isolation from the first reported patients in Brazil and establishment of a coordinated task. *Mem. Inst. Oswaldo Cruz* 115. 2020. <https://doi.org/10.1590/0074-02760200342>

Alves V, Gomes F. Genomic and phylogenetic characterisation of an imported case of SARS-CoV-2 in Amazonas State, Brazil. <http://orcid.org/0000-0002-2888-1060>

Castillo AE, Parra B, Tapia P, *et al.* Phylogenetic analysis of the first four SARS-CoV-2 cases in Chile. *J Med Virol.* 2020; 1– 5. <https://doi.org/10.1002/jmv.25797>

Licastro D, Rajasekharan S, Dal Monego S, Segat L, D'Agaro P, Marcello A. Isolation and Full-Length Genome Characterization of SARS-CoV-2 from COVID-19 Cases in Northern Italy. *J Virol.* 2020 May 18;94(11):e00543-20. doi: 10.1128/JVI.00543-20. PMID: 32238585; PMCID: PMC7269454.

Haveri A, Smura T, Kuivanen S, Österlund P, Hepojoki J, Ikonen N, Pitkäpaasi M, Blomqvist S, Rönkkö E, Kantele A, Strandin T, Kallio-Kokko H, Mannonen L, Lappalainen M, Broas M, Jiang M, Siira L, Salminen M, Puumalainen T, Sane J, Melin M, Vapalahti O, Savolainen-Kopra C. Serological and molecular findings during SARS-CoV-2 infection: the first case study in Finland, January to February 2020. *Euro Surveill.* 2020;25(11):pii=2000266. <https://doi.org/10.2807/1560-7917.ES.2020.25.11.2000266>

En virtud de los motivos expuestos se sugiere hacer lugar a lo solicitado en los términos del presente informe.-

Ministerio de Salud Pública

Dirección General de Secretaría

VISTO: la solicitud de información pública efectuada , al amparo de lo dispuesto por la Ley N° 18.381, de 17 de octubre de 2008;

RESULTANDO: que el peticionante solicita se informe si el Ministerio de Salud Pública puede dar a conocer a la población la secuenciación completa que se corresponda con el virus SARSCOV2;

CONSIDERANDO: I) que corresponde hacer lugar a lo peticionado;

II) que de acuerdo a lo dispuesto por el Artículo 16 de la citada disposición legal, el acto que resuelva la petición debe emanar del jerarca máximo del Inciso o quien posea facultades delegadas al efecto;

ATENTO: a lo precedentemente expuesto y a lo establecido por Resolución Ministerial N° 38/991 de 22 de enero de 1991;

EL DIRECTOR GENERAL DE SECRETARÍA

en ejercicio de las atribuciones delegadas

RESUELVE:

- 1º) Autorízase el acceso a la información, en referencia a la solicitud efectuada
 , al amparo de lo dispuesto por la Ley N°
 18.381, de 17 de octubre de 2008.
- 2º) Notifíquese a la parte interesada a través de Secretaría de la Dirección General de Secretaría. Pase al Departamento de Comunicaciones para su publicación en la página web institucional. Cumplido, archívese.

Ref. N° 001-3-6394-2022
VC