



Montevideo, 26 de julio 2023

Sra. Directora General de Salud,
Dra. Adriana Alfonso,

En referencia al acceso a la información 3/4177/2023 que solicita:

“Deseo saber si el Ministerio de Salud Pública (a partir de muestras humanas que no hayan sido previamente adulteradas o contaminadas con material genético externo) ha aislado, purificado, caracterizado, secuenciado y estudiado con experimentos controlados los siguientes 4 virus:

- SARS-COV2
- H1N1 (gripe porcina)
- el Virus Sincicial Respiratorio (VRS)
- el Virus de la Influenza (virus de la gripe).

Si la respuesta es no, para alguno de los virus antes nombrados (es decir, que el MSP no haya realizado esos experimentos para alguno de los virus) deseo saber si el MSP tiene información chequeada de alguna otra institución o laboratorio dentro del territorio nacional o fuera de él (cualquier parte del mundo) que hubieran realizado dichos experimentos. De ser así, necesito toda la documentación que el Ministerio me pueda proporcionar”

Respuesta: En la Unidad de Virología del Departamento de Laboratorios de Salud Pública del MSP, el Centro Nacional de Influenza, reconocido por OMS, formando parte de la red internacional cumple con los objetivos exigidos por OPS/OMS para la vigilancia de la circulación de virus Influenza, SARS-CoV2, y otros virus respiratorios (OVR), incorporando las guías y manuales específicos para los Laboratorios de Referencia de los países.

Esta vigilancia virológica continua, importante rol de la Vigilancia Epidemiológica, se basa actualmente en los estudios moleculares por amplificación en tiempo real (RT-PCR) y en estudios de secuenciación de genes y genomas completos para los virus Influenza, SARS-CoV2 y Virus Respiratorio Sincicial (VRS).

El aislamiento y caracterización antigénica de los virus, Virus Respiratorio Sincicial (VRS) y de los Virus de Influenza tipos A y B, o “virus de la gripe” (este



término hace referencia al evento clínico), así como de los subtipos dentro de los virus Influenza A (H1 pandémico (mal llamado gripe porcina), H1 estacional, H3, etc.) se realiza por métodos de cultivos en biosustrato celulares, todas pruebas controladas y con medidas de bioseguridad acordes al nivel que se requiere, en cuanto a instalaciones, infraestructura, insumos de laboratorio, protección de los profesionales operadores y tratamiento de los desechos. Esto no sucede con el virus SARS-CoV2 y variantes, agente causante de la pandemia de COVID-19 desde el 2020, ya que se requieren condiciones de bioseguridad de nivel mayor que las existentes.

Existe numerosa literatura científica internacional publicada, revisada por pares. Se adjuntan referencias de trabajos en los que se ha logrado aislar, purificar y estudiar la secuencia genética completa del SARS-CoV-2 Influenza y otros virus respiratorios. Las secuencias del genoma viral obtenidas y publicadas son habitualmente compartidas por centenares de investigadores en el mundo, en bases de datos que recopilan esta información como:

- GISAID (Global Initiative on Sharing Avian Influenza Data) <https://gisaid.org/>
- NCBI (National Center for Biotechnology Information) <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/> y ViPR (Virus Pathogen Resource)
- Natalia Ramos, Yanina Panzera, Sandra Frabasile et al A multiplex-NGS approach to identifying respiratory RNA viruses during the COVID-19 pandemic. February 2023. Archives of Virology 168(3) DOI:10.1007/s00705-023-05717-6 Genome Sequences of SARS-CoV-2 P.1 (Variant of Concern) and P.2 (Variant of Interest) Identified in Uruguay. May 2021. Microbiology Resource Announcements 10(21) DOI:10.1128/MRA.00410-21
- Epidemiology and Genetic Variability of Circulating Influenza B Viruses in Uruguay, 2012–2019 April 2020 Microorganisms 8(4):591 DOI:10.3390/microorganisms8040591
- Estimates of global seasonal influenza-associated respiratory mortality: A modelling study December 2017 The Lancet 391(10127) DOI:10.1016/S0140-6736(17)33293-2



- Phylogenetic analysis of pandemic 2009 influenza A virus circulating in the South American region: Genetic relationships and vaccine strain match October 2010 Archives of Virology 156(1):87-94 DOI:10.1007/s00705-010-0825-7
- Infecciones intrahospitalarias por adenovirus en niños asistidos en el Centro Hospitalario Pereira Rossell, 2001-2006 June 2009 License CC BY-NC
- Investigación de virus respiratorios en niños menores de dos años hospitalizados por infección respiratoria aguda baja Arch Pediatr Urug 2003; 74(3): 176-181
- Infecciones graves por virus respiratorio sincitial en lactantes menores de tres meses VL - 72, 20 - 25, Arch Pediatr Urug 2001
- Identification of Viruses in a Study of Acute Respiratory Infection in Children from Uruguay November 1990 Reviews of Infectious Diseases 12 Suppl 8(Supplement 8):S995-7 DOI:10.2307/4455738
- Respiratory Syncytial virus subgroups and pneumonia in children November 1989 The Lancet 2(8670):1039-40 DOI:10.1016/S0140-6736(89)91048-9
- Antigenic characterization of respiratory syncytial virus associated with Acute Respiratory Infections in Uruguayan children from 1985 to 1987 August 1989 Journal of Clinical Microbiology 27(7):1464-6 DOI:10.1128/JCM.27.7.1464-1466.1989
- Yoshinori Fujiyoshi, Nahoaki P.Kume, Kazumi Sakata and Satoshi B.Sato. 1994. Fine structure of influenza A virus observed by electron cryo-microscopy. The EMBO Journal, 13:318-329.
- Zunlong Ke, Rebecca S. Dillard, Tatiana Chirkova et al. 2018. The Morphology and Assembly of Respiratory Syncytial Virus Revealed by Cryo-Electron Tomography. Viruses, 10:446
- Zhu N, Zhang D, Wang W, Li X, Yang B, Song J, Zhao X, Huang B, Shi W, Lu R, Niu P, Zhan F, Ma X, Wang D, Xu W, Wu G, Gao GF, Tan W; China Novel Coronavirus Investigating and Research Team. A Novel Coronavirus from Patients with Pneumonia in China, 2019. N Engl J Med.



2020 Feb 20;382(8):727-733. doi:

10.1056/NEJMoa2001017. Epub 2020 Jan 24. PMID: 31978945; PMCID: PMC7092803

- Díaz FJ, Aguilar-Jiménez W, Flórez-Álvarez L, Valencia G, Laiton-Donato K, Franco-Muñoz C, et al. Aislamiento y caracterización de una cepa temprana de SARS-CoV-2 durante la epidemia de 2020 en Medellín, Colombia. *Biomédica*. 2020;40(Supl.2):148-58. <https://doi.org/10.7705/biomedica.5834>
- Harcourt J, Tamin A, Lu X, Kamili S, Sakthivel SK, Murray J, et al. Isolation and characterization of SARS-CoV-2 from the first US COVID-19 patient. *bioRxiv*. 2020;bioRxiv 2020.03.02.972935. <https://doi.org/10.1101/2020.03.02.972935> Park WB, Kwon NJ, Choi SJ, Kang CK, Choe PG, Kim JY, et al. Virus isolation from the first patient with SARS-CoV-2 in Korea. *J Korean Med Sci*. 2020;35:e84. <https://doi.org/10.3346/jkms.2020.35.e84>
- Pavel STI, Yetiskin H, Aydin G, Holyavkin C, Uygut MA, Dursun ZB, Celik İ, Cevik C, Ozdarendeli A. Isolation and characterization of severe acute respiratory syndrome coronavirus 2 in Turkey. *PLoS One*. 2020 Sep 16;15(9):e0238614. doi: 10.1371/journal.pone.0238614. PMID: 32936826; PMCID: PMC7494126.
- Bastos L, Luiz D. SARS-CoV-2 isolation from the first reported patients in Brazil and establishment of a coordinated task . *Mem. Inst. Oswaldo Cruz* 115. 2020. <https://doi.org/10.1590/0074-02760200342> Alves V, Gomes F. Genomic and phylogenetic characterisation of an imported case of SARS-CoV-2 in Amazonas State, Brazil. <http://orcid.org/0000-0002-2888-1060>
- Castillo AE, Parra B, Tapia P, et al. Phylogenetic analysis of the first four SARS-CoV-2 cases in Chile. *J Med Virol*. 2020; 1– 5. <https://doi.org/10.1002/jmv.25797>
- Licastro D, Rajasekharan S, Dal Monego S, Segat L, D'Agaro P, Marcello A. Isolation and Full-Length Genome Characterization of SARS-CoV-2 from COVID-19 Cases in Northern Italy. *J Virol*. 2020 May 18;94(11):e00543-20. doi: 10.1128/JVI.00543-20. PMID: 32238585; PMCID: PMC7269454.



- Haveri A, Smura T, Kuivanen S, Österlund P, Hepojoki J, Ikonen N, Pitkääpaasi M, Blomqvist S, Rönkkö E, Kantele A, Strandin T, Kallio-Kokko H, Mannonen L, Lappalainen M, Broas M, Jiang M, Siira L, Salminen M, Puumalainen T, Sane J, Melin M, Vapalahti O, Savolainen-Kopra C. Serological and molecular findings during SARS-CoV-2 infection: the first case study in Finland, January to February 2020. Euro Surveill. 2020;25(11):pii=2000266. <https://doi.org/10.2807/1560-7917.ES.2020.25.11.2000266>

Unidad de Información



Montevideo, 14 de Agosto de 2023.

Director General de Secretaría

Ref. N.º 12/001/3/3981/2023.-

Mediante acceso a la información pública, solicita la siguiente información al Ministerio de Salud Pública:

“Deseo saber si el Ministerio de Salud Pública (a partir de muestras humanas que no hayan sido previamente adulteradas o contaminadas con material genético externo) ha aislado, purificado, caracterizado, secuenciado y estudiado con experimentos controlados los siguientes 4 virus: SARS-COV2, H1N1 (gripe porcina), el Virus Sincicial Respiratorio (VRS) y el Virus de la Influenza (virus de la gripe).

Si la respuesta es no, para alguno de los virus antes nombrados (es decir, que el MSP no haya realizado esos experimentos para alguno de los virus) deseo saber si el MSP tiene información chequeada de alguna otra institución o laboratorio dentro del territorio nacional o fuera de él (cualquier parte del mundo) que hubieran realizado dichos experimentos. De ser así, necesito toda la documentación que el Ministerio me pueda proporcionar.”

Consultada la Dirección General de la Salud (DIGESA), cuyo informe luce adjunto a estos obrados (fs. 7 a 11), es que se sugiere proporcionar la información ut supra referida en los términos que se detallan a continuación.

Considerando que la solicitud se formuló conforme al procedimiento establecido en la norma (Ley 18.381 - art. 13 y ss.), y no se encuentra declarada como reservada o confidencial, se recomienda hacer lugar al pedido de acceso a la información pública de forma total, notificando al interesado de las fojas 7 a 11, la correspondiente resolución y en los términos del presente informe.

Ministerio de Salud Pública

Dirección General de Secretaría

VISTO: la solicitud de información pública efectuada, al amparo de lo dispuesto por la Ley N° 18.381, de 17 de octubre de 2008;

RESULTANDO: que la peticionante solicita información respecto a: 1) si a partir de muestras humanas que no hayan sido previamente adulteradas o contaminadas con material genético externo, el Ministerio de Salud Pública ha aislado, purificado, caracterizado, secuenciado y estudiado con experimentos controlados los siguientes 4 virus: SARS-COV2, H1N1 (gripe porcina), el Virus Sincicial Respiratorio (VRS) y el Virus de la Influenza (virus de la gripe); 2) si en el caso que el Ministerio de Salud Pública no haya realizado esos experimentos para alguno de los virus se informe si cuenta con información de alguna otra institución o laboratorio dentro del territorio nacional o fuera de él, que hubieran realizado dichos experimentos, aportando la documentación al respecto;

CONSIDERANDO: I) que corresponde acceder a lo peticionado;

II) que de acuerdo a lo dispuesto por el Artículo 16 de la citada disposición legal, el acto que resuelva la petición debe emanar del jerarca máximo del Inciso o quien posea facultades delegadas al efecto;

ATENTO: a lo precedentemente expuesto y a lo establecido por Resolución Ministerial N° 38/991 de 22 de enero de 1991;

EL DIRECTOR GENERAL DE SECRETARÍA

en ejercicio de las atribuciones delegadas

RESUELVE:

- 1º) Autorízase el acceso a la información en referencia a la solicitud efectuada

identidad N° 1.952.598-4, al amparo de lo dispuesto por la Ley N° 18.381, de 17 de octubre de 2008.

- 2º) Notifíquese a la parte interesada a través de Secretaría de la Dirección General de Secretaría. Pase al Departamento de Comunicaciones para su publicación en la página web institucional. Cumplido, archívese.

Ref. N° 001-3-3981-2023

VF