

**DIRECCIÓN GENERAL DE LA SALUD
DIVISIÓN EPIDEMIOLOGÍA
DEPARTAMENTO DE LABORATORIO**

Montevideo, 29 de marzo de 2021.

**INFORME DEL ANÁLISIS DE LAS SECUENCIAS DE FRAGMENTO DE GEN S (SPIKE) EN MUESTRAS
PROCEDENTES DEL DEPARTAMENTO DE RIVERA .**

A la fecha se llevan secuenciados 54 muestras del Depto. de Rivera obtenidas los días 11 y 12 del corriente año.

La distribución etaria de los casos estudiados fue de 3 a 80 años, agrupados de la siguiente manera:

- 19 menores de 25 años (13 menores de 15 años) y
- 32 mayores de 25 años.

La metodología aplicada, ya desde diciembre 2020, se siguió con la estrategia de amplificar una región del gen S (spike) del genoma de SARS CoV-2, e identificar a través de secuenciación las variantes en muestras de Uruguay.

Las mismas fueron procesadas en el Departamento de Laboratorios de MSP y en Sección Virología y Genética evolutiva de Facultad de Ciencias.

De las secuencias obtenidas hasta el momento, se concluye que

1. 39 de las muestras correspondieron a la variante P1 (72,2%).
2. 12 muestras correspondieron a la variante P2, (22,2).
3. De los 13 menores de 15 años, 11 correspondieron a la P1 y 2 a la P2.
4. 3 muestras correspondieron a la cepa originaria B1.1.33. (5,55)

NOTA

Los estudios por secuenciación continúan, se ampliarán los resultados de otras muestras en proceso de secuenciarse en los próximos días, ampliando así el diagnóstico de situación de la circulación de las variantes en nuestro país.

Av. Alfredo Navarro 3051 Instituto de Higiene acceso norte. CP 11600 Telf. 1934 6240

email:consultasdlsp@msp.gub.uy